

GRAS-Di®



多様なリクエストを想定して、参考見積もりを用意しました。
 実際にご相談いただく際のオーダーシートの参考にご活用ください。

* GRAS-Di®はトヨタ自動車株式会社の登録商標です

タイトル	GRAS-Di®解析 [配列分析のみ]			
提供試料	<input type="checkbox"/> DNA () <input checked="" type="checkbox"/> 植物サンプル (葉 96 検体)			
DNA抽出	<input type="checkbox"/> なし <input checked="" type="checkbox"/> あり (<input checked="" type="checkbox"/> 磁気ビーズ法 <input type="checkbox"/> スピнкаラム法)			
情報解析	<input checked="" type="checkbox"/> なし (リード配列のみ納品)) <input type="checkbox"/> あり ())			
作業内容	1. DNA抽出 DNA自動抽出装置oKtopure (LGC Biosearch Technologies) を使用 2. GRAS-Di®ライブラリ作製 63プライマーセットによる1st PCR、各サンプル2種類のインデックスを付与 3. 塩基配列分析 DNBSEQ-G400RSによる100bpのペアエンド分析× 1レーン 5.6億リード、サンプルあたり平均約583万リード ※リード数はあくまで目安です			
納品物	<ul style="list-style-type: none"> ・ 受託業務報告書 ・ 塩基配列データ (Fastqファイル) 			
参考見積	検体数	費用 (税込)	レーン	リード数
	96	521,400円	1	5.6億リード、平均約583万リード/サンプル
	192	728,200円	1	5.6億リード、平均約292万リード/サンプル
標準納期	作業開始後40営業日			

プライマーに関する補足：

66品目については、最適プライマーセットが決まっています。

最適プライマーセットが決定していない品目は、63種類 (63-plex) のランダムプライマーを用いて分析します。
 一方、コムギなどのゲノムサイズが大きい種や、ゲノムサイズが小さくても1st PCRで特異的な増幅が認められた植物種については、当該増幅領域の配列が多く取られることで検出可能な変異数が減少する可能性があるため、12種類 (12-plex) で進めることを推奨しています。1stPCRで特異的増幅が見られた場合、用いるプライマーセットの検討を提案させていただきます (追加費用は税込110,000円、追加作業日数は8営業日)。