

# Whole Genome Shotgun Sequencing



多様なリクエストを想定して、参考見積もりを用意しました。  
 ショートリードとロングリードの事例をそれぞれご案内します。  
 Revioの登場で、よりゲノム研究が加速します。

|              |   |  |
|--------------|---|--|
| <b>タイトル</b>  | <b>リシークエンス解析</b> [配列分析+情報解析]  |  |
| <b>提供試料</b>  | <input type="checkbox"/> DNA ( ) <input checked="" type="checkbox"/> 植物サンプル ( 葉 1 検体 )  |  |
| <b>DNA抽出</b> | <input type="checkbox"/> なし   | <input checked="" type="checkbox"/> あり ( <input type="checkbox"/> 磁気ビーズ法 <input checked="" type="checkbox"/> スピンカラム法 ) |
| <b>情報解析</b>  | <input type="checkbox"/> なし ( リード配列のみ納品します )<br><input checked="" type="checkbox"/> あり ( <b>SNPs検出</b> )  |  |
| <b>作業内容</b>  | <ol style="list-style-type: none"> <li>DNA抽出<br/>DNeasy Plant Mini Kit (QIAGEN社) を使用</li> <li>リシークエンス解析用ライブラリ作製</li> <li>塩基配列分析<br/>DNBSEQ-G400RSによる100bpのペアエンド分析×1レーン<br/>総データ量80Gb程度 ※データ量はあくまで目安です</li> <li>情報解析 <ul style="list-style-type: none"> <li>リードの精査 (QC、トリミング)</li> <li>参照ゲノム配列へのマッピング (参照配列の指定あり)</li> <li>バリアントの検出</li> </ul> </li> </ol> |  |
| <b>納品物</b>   | <ul style="list-style-type: none"> <li>受託業務報告書</li> <li>塩基配列データ (Fastqファイル)</li> <li>マッピング結果 (bamファイル)</li> <li>SNPs検出の結果 (VCFファイル)</li> </ul>  |  |
| <b>参考見積</b>  | 616,600円 (税込)   | 配列分析_237,600円 (税込)、情報解析_374,000円 (税込)  |
| <b>標準納期</b>  | 作業開始後75営業日  | 配列分析_40営業日、情報解析_35営業日  |

### 全ゲノム解析に関する補足：

- ・本事例では100PEで塩基配列データを取得していますが、目的と取得したいデータ量によっては、150PEでの塩基配列分析も可能です。
- ・変異検出を目的とした全ゲノム解析では、1サンプルあたりゲノムサイズの20~30倍のデータを取得することを推奨しています。