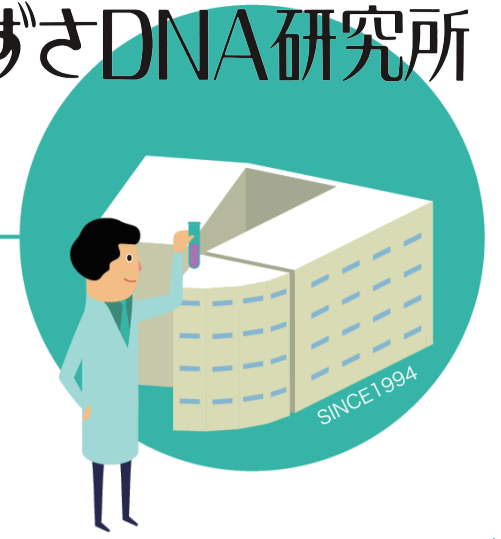


QTL-Seq



タイトル	QTL-Seq解析 [配列分析 + 情報解析]	
提供試料	<input type="checkbox"/> DNA () <input checked="" type="checkbox"/> 植物サンプル (葉 159 検体)	
DNA抽出	<input type="checkbox"/> なし <input checked="" type="checkbox"/> あり (<input checked="" type="checkbox"/> 磁気ビーズ法 <input type="checkbox"/> スピнкаラム法)	
情報解析	<input type="checkbox"/> なし (リード配列のみ納品します) <input checked="" type="checkbox"/> あり (SNPs検出、QTL検出)	
作業内容	<ol style="list-style-type: none"> DNA抽出 DNA自動抽出装置oKtopure (LGC Biosearch Technologies) を使用 指定集団のバルク化 (5 集団) Swiftライブラリ作製 (5サンプル) 塩基配列分析 DNBSEQ-G400RSによる150bpのペアエンド分析 × 1 レーン 8億リード ※リード数はあくまで目安です 情報解析 <ul style="list-style-type: none"> リードの精査 (QC、トリミング) 参照ゲノム配列へのマッピング (参照配列の指定あり) SNPsの検出 QTL解析 (提供された形質値にもとづくQTL検出) <p><オプション解析> 候補遺伝子の探索、連鎖地図作成、GWAS解析、PCRマーカー設計など</p>	
納品物	<ul style="list-style-type: none"> 受託業務報告書 塩基配列データ (Fastqファイル) マッピング結果 (bamファイル) SNPs検出の結果 (VCFファイル) QTL解析結果 (deltaSNP-indexの表、プロット) 	
参考見積	861,300円 (税込)	配列分析_445,500円 (税込)、情報解析_415,800円 (税込)
標準納期	作業開始後80営業日	配列分析_40営業日、情報解析_40営業日

提供サンプル量について :

LGC社製DNA自動抽出装置oKtopureによるDNA抽出では、弊所が指定する方法に従い、お客様ご自身にサンプリングしていただきます。採取量は品目により若干異なりますが、1サンプルあたり40-50mg程度 (6mmリーフディスク7-10枚程度) の葉のご提供をお願いしています。