

| | | |
|-------|--|---------------------------------------|
| タイトル | GRAS-Di [®] 解析 [配列分析+情報解析] | |
| 提供試料 | □ DNA () ● 植物サンプル (葉 192 検体) | |
| DNA抽出 | □ なし | ● あり (● 磁気ビーズ法 □ スピнкаラム法) |
| 情報解析 | □ なし (リード配列のみ納品します) ● あり (SNPs検出、汎用的な解析法を利用) | |
| 作業内容 | <p>1. DNA抽出 DNA自動抽出装置oKtopure (LGC Biosearch Technologies) を使用</p> <p>2. GRAS-Di[®]ライブラリ作製 63プライマーセットによる1st PCR、各サンプル2種類のインデックスを付与</p> <p>3. 塩基配列分析 DNBSEQ-G400RSによる100bpのペアエンド分析×1レーン 5.6億リード、サンプルあたり平均約292万リード ※リード数はあくまで目安です</p> <p>4. 情報解析</p> <ul style="list-style-type: none"> ・リードの精査 (QC、トリミング) ・参照ゲノム配列へのマッピング (参照配列の指定あり) ・SNPsの検出 <p><解析方法について> トヨタ社で開発したプログラム (GRAS-Di[®]) を用いた解析も選択可能です。 ただし、検出されるデータは優性マーカー (該当アレルのあり/なしで判定し、ホモ型とヘテロ型は区別されない) となります。</p> | |
| 納品物 | <ul style="list-style-type: none"> ・ 受託業務報告書 ・ 塩基配列データ (Fastqファイル) ・ マッピング結果 (bamファイル) ・ SNPs検出の結果 (VCFファイル) | |
| 参考見積 | 915,200円 (税込) | 配列分析_510,400円 (税込)、情報解析_404,800円 (税込) |
| 標準納期 | 作業開始後70営業日 | 配列分析_40営業日、情報解析_30営業日 |

情報解析に関する補足：

指定の参照ゲノム配列にマッピングして、汎用的な方法 (GRAS-Di[®]以外にも使われている方法) で変異 (SNPs) を検出する解析では、共優性マーカーとしてGenotypeデータが算出されます (両側ホモ、ヘテロ)。一方、トヨタ社で開発したプログラム (GRAS-Di[®]) を用いた解析は、配列をクラスタリングすることにより変異を検出する方法であり、優性マーカーとしてGenotypeデータが算出されます (アレルのあり、なし)。費用は、汎用的な方法で解析を進める場合よりも若干リーズナブルです。